



Изучение генов фолатного цикла у детей с пищевой аллергией

Коваленко Д.В., Шуматова Т.А., Приходченко Н.Г., Григорян Л.А.

ФГБОУ ВО ТГМУ Минздрава России, Владивосток, Российская Федерация

Актуальность. Мутации генов фолатного цикла, нарушающие репарацию и метилирование ДНК, являются предрасполагающим фактором развития некоторых заболеваний.

Цель исследования. Изучение полиморфизмов генов фолатного цикла у детей с пищевой аллергией.

Пациенты и методы. Обследованы 56 детей раннего возраста с пищевой аллергией и 30 здоровых детей. В крови методом полимеразной цепной реакции изучались полиморфные варианты генов фолатного цикла — генотипы C677T и A1298C гена MTHFR, генотип A66G гена MTRR и генотип A2756G гена MTR. Для статистической обработки данных использовали непараметрические методы.

Результаты. Установлено, что наличие гомозиготного варианта аллели TT полиморфного маркера C677T гена MTHFR увеличивает риск развития пищевой гиперчувствительности у детей более чем в 2 раза, в 1,5 раза

увеличивает риск развития пищевой аллергии наличие гомозиготного варианта AA генотипа A1298C гена MTHFR, гетерозиготного варианта AC этого гена — в 1,3 раза. Регистрация аллели CC повышает риск патологии в 2 раза.

Носительство гомозиготного варианта аллели GG полиморфного маркера A66G гена MTRR увеличивает вероятность пищевой аллергии в 2,8 раза, гетерозиготный вариант AG этого гена — в 1,2 раза. Выявление неблагоприятной аллели G генотипа A2756G гена MTR увеличивает риск пищевой гиперчувствительности в 3,4 раза, гетерозиготного варианта AG гена — в 1,2 раза.

Заключение. В результате проведенного исследования выявлена ассоциация ряда полиморфных маркеров генов фолатного цикла с развитием пищевой аллергии у детей, полученные данные могут быть использованы в клинической практике.